

Installer un outil sur votre instance Galaxy depuis le toolshed

Cette documentation détaille la marche à suivre pour installer un outil sur une instance de Galaxy depuis un tool shed. Les tool sheds sont des “app stores” qui peuvent être utilisés pour partager des outils packagés pour Galaxy par la communauté scientifique.

Autres documents utiles

- la documentation du CRI de l'Université de Lille Sciences et Technologies, qui détaille la procédure générale pour se connecter au cloud, créer une instance, configurer l'accès à l'instance et associer un disque virtuel:
<http://hpc.univ-lille1.fr/sites/hpc.univ-lille1.fr/files/Calcul/pdf/guide-utilisation-cloud-hpc-universite-lille-gui.pdf>
- la page du cloud bilille, qui accueille l'instance Galaxy: charte d'utilisation, configuration, lexique, documentation,...: <https://wikis.univ-lille1.fr/bilille/calcul>
- la page Galaxy de bilille, pour toutes les autres informations sur Galaxy:
<https://wikis.univ-lille1.fr/bilille/galaxy>

Table des matières

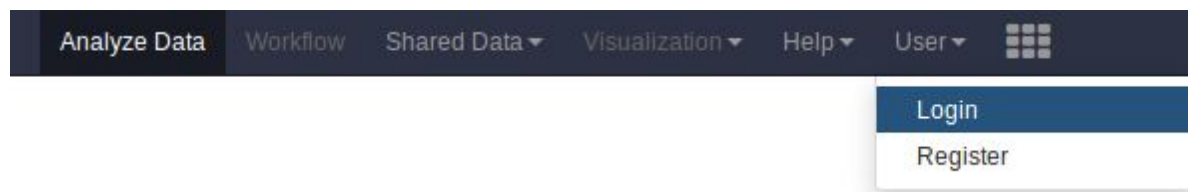
Table des matières	1
1. Se connecter à Galaxy en tant qu'admin	2
2. Accéder à un tool shed	2
3. Chercher un outil	3
4. Sélectionner un outil dans la liste de résultats	4
5. Fin de l'installation	5
6. Aide & support	6



1. Se connecter à Galaxy en tant qu'admin

Si vous souhaitez installer sur votre VM Galaxy-bilille un outil présent dans le tool shed, vous devez vous connecter en tant qu'admin avec les identifiants suivants :

login : admin@galaxy.ifb.fr / mot de passe : ifbadmin



Cliquez sur l'onglet "Admin" qui est apparu dans le menu central.

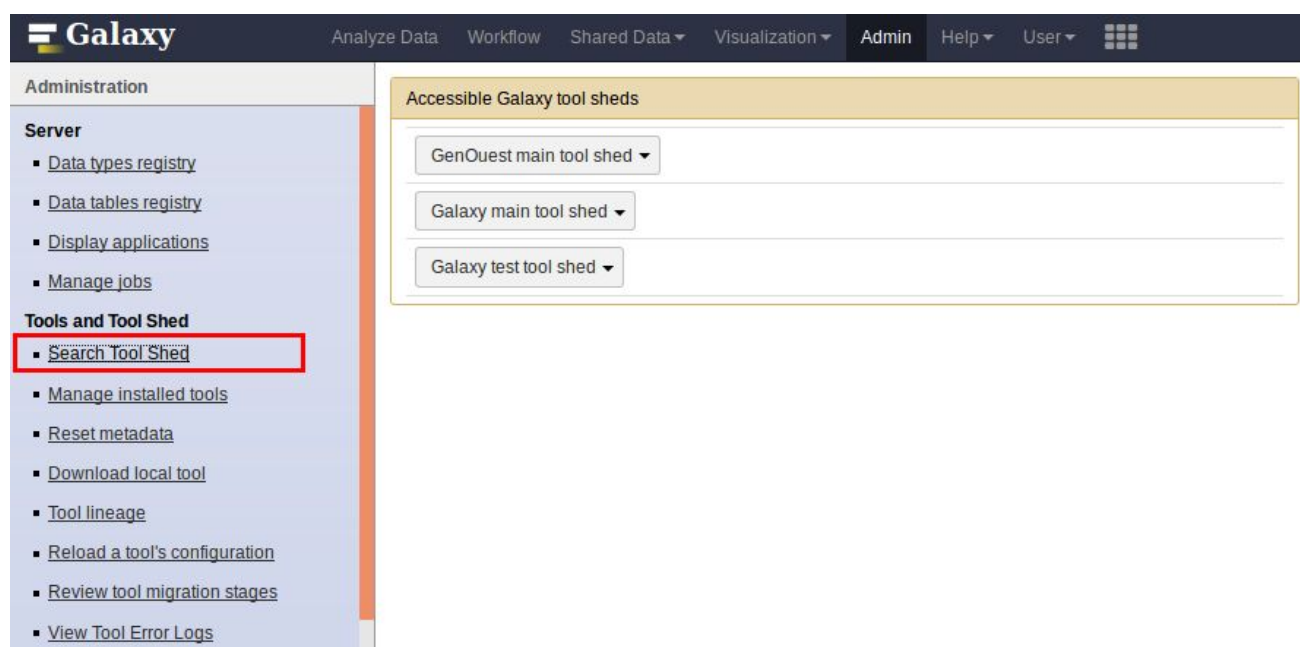


2. Accéder à un tool shed

Dans le volet de gauche, cliquez sur "Search tool shed". Vous avez accès à trois tool sheds:

- le [Main Tool Shed](#), proposé par la Galaxy Team, qui contient des outils jugés suffisamment bons pour être partagés avec la communauté.
- le [Test Tool Shed](#), proposé par la Galaxy Team, qui est plutôt un bac à sable avec des outils non validés par leur propriétaire.
- le [tool shed géré par la plateforme GenOuest](#).

Ouvrez le tool shed de votre choix en cliquant sur "search for valid tools".



The screenshot shows the Galaxy web interface. On the left is a navigation menu with sections: Administration, Server (with links like Data types registry, Data tables registry, Display applications, Manage jobs), and Tools and Tool Shed (with links like Search Tool Shed, Manage installed tools, Reset metadata, Download local tool, Tool lineage, Reload a tool's configuration, Review tool migration stages, View Tool Error Logs). The main content area is titled 'Accessible Galaxy tool sheds' and contains three dropdown menus: 'GenOuest main tool shed', 'Galaxy main tool shed', and 'Galaxy t...'. A dropdown menu is open over the 'Galaxy main tool shed' button, showing three options: 'Browse valid repositories', 'Search for valid tools' (highlighted in blue), and 'Search for workflows'.

3. Chercher un outil

Entrez le nom de l'outil que vous cherchez.

Search repositories for valid tools

Valid tools are those that properly load in Galaxy. Enter any combination of the following tool attributes to find repositories that contain valid tools matching the search criteria.

Comma-separated strings may be entered in each field to expand search criteria. Each field must contain the same number of comma-separated strings if these types of search strings are entered in more than one field.

Tool id:

Tool name:

Tool version:

Exact matches only:

Check the box to match text exactly (text case doesn't matter as all strings are forced to lower case).

4. Sélectionner un outil dans la liste de résultats

Dans la liste des résultats, sélectionnez l'outil (ou les outils) que vous souhaitez installer.

Repositories with matching tools

tool id:

tool name: **bwa**


tool version:

exact matches only: **False**

<input type="checkbox"/>	Repository name	Synopsis	Revision	Owner
<input type="checkbox"/>	bwa	Wrapper for bwa mem, aln, sampe, and samse	7bee165c3a44	devteam
<input type="checkbox"/>	dwa	Wrapper for bwa mem, aln, sampe, and samse	e29bc5c169bc	devteam
<input type="checkbox"/>	bwa	Wrapper for bwa mem, aln, sampe, and samse	ca29c55c78e7	devteam
<input type="checkbox"/>	bwa	Wrapper for bwa mem, aln, sampe, and samse	53646aaaafef	devteam

Vous pouvez installer l'outil dans une section du panel d'outils déjà existante ou bien créer une nouvelle section. Si l'outil a des dépendances, celles-ci seront affichées sur cette page, et Galaxy vous proposera de les installer automatiquement.

A noter : il arrive que l'installation échoue à cause d'un problème de time-out. La plupart du temps il suffit de relancer l'installation.

 The Galaxy development team does not maintain the contents of many Galaxy Tool Shed repositories. Some repository tools may include code that produces malicious behavior, so be aware of what you are installing. If you discover a repository that causes problems after installation, contact [Galaxy support](#), sending all necessary information, and appropriate action will be taken. [Contact the repository owner](#) for general questions or concerns.

The following tool dependencies are required by the current repository

Dependency	Version	Current Installation Status
bwa	0.7.12	✔ Installed through Galaxy_Package
samtools	1.2	✔ Installed through Conda

Confirm dependency installation

By default Galaxy will install all needed dependencies for the repository. See the [dependency resolver documentation](#).

You can control how dependencies are installed (this is an advanced option, if in doubt, use the default)

Choose the tool panel section to contain the installed tools (optional)

Add new tool panel section:

Add a new tool panel section to contain the installed tools (optional).

Select existing tool panel section:

▼

Choose an existing section in your tool panel to contain the installed tools (optional).

Clicking **Install** without selecting a tool panel section will load the installed tools into the tool panel outside of any sections.

5. Fin de l'installation

La page qui s'affiche vous permet de suivre le processus d'installation.

Monitor installing tool shed repositories				
Name	Description	Owner	Revision	Status
bwa	Wrapper for bwa mem, aln, sampe, and samse	devteam	7bee165c3a44	New
package_bwa_0_7_12	Contains a tool dependency definition that downloads and compiles bwa version 0.7.12.	iuc	6af9b24ddee	Installing tool dependencies

Depuis l'onglet "Manage installed tools" vous pouvez vérifier l'état de tous les outils installés depuis le tool shed, ainsi que les désactiver ou désinstaller.

Galaxy Administration | Analyze Data | Workflow | Shared Data | Visualization | Admin | Help | User | Using 3.0 MB

Administration

- Server
 - Data types registry
 - Data tables registry
 - Display applications
 - Manage jobs
- Tools and Tool Shed
 - Search Tool Shed
 - Manage installed tools**
 - Reset metadata
 - Download local tool
 - Tool lineage
 - Reload a tool's configuration
 - Review tool migration stages
 - View Tool Error Logs
 - Manage Display Whitelist
- User Management
 - Users
 - Groups
 - Roles
 - API keys

Installed tool shed repositories [Update tool shed status]

search repository name Q

Advanced Search

<input type="checkbox"/>	Name	Description	Owner	Revision	Installation Status	Tool shed
<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/> bwa	Wrapper for bwa mem, aln, sampe, and samse	devteam	7bee165c3a44	Installed	toolshed.g2.bx.psu.edu
<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/> package_bwa_0_7_12	Contains a tool dependency definition that downloads and compiles bwa version 0.7.12.	iuc	6af9b24ddee	Installed	toolshed.g2.bx.psu.edu

For 0 selected items: [Deactivate or uninstall]

Updates are available in the Tool Shed for this revision
 A newer installable revision is available for this repository
 This is the latest installable revision of this repository
 This repository is deprecated in the Tool Shed
 This repository contains exported workflows
 Unable to get information from the Tool Shed

6. Aide & support

bilille organise régulièrement des sessions de formations d'initiation à Galaxy, ainsi que des permanences d'aide aux utilisateurs. Toutes les informations sont disponibles à la rubrique Galaxy du site web de la plateforme: <https://wikis.univ-lille1.fr/bilille/galaxy>

Vous pouvez également adresser vos questions par mail à samuel.blanck@univ-lille2.fr et isabelle.guigon@univ-lille1.fr